

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Madame
Lola

Frankreich

Résultat d'analyses Nr.: 2606-W-779616

Réception le: 09.06.2026
Date du résultat: 19.06.2026
Début de l'analyse: 09.06.2026
Fin de l'analyse: 19.06.2026
Statut des résultats: Résultat final

Espèce:	Chat
Race:	British longhair
Sexe:	Mâle
Nom:	Rare British Rare Saphir
Nr. du pedigree:	WCF-TB-0365-MIYAV-0375-LO
Nr. de la puce:	90 [REDACTED] 612
Date de naissance / Âge:	25.05.2025
Nature du prélèvement:	eNat
Date de prélèvement:	03.06.2026
Échantillonneur:	Dr. Camille Girardin 35933
Propriétaire de l'animal:	[REDACTED] Lola
Numéro EDP / ID des résultats:	---

Vous avez demandé un certificat avec les tests génétiques commandés. Veuillez vérifier l'exactitude de toutes les données relatives à l'animal et au propriétaire. Une fois le certificat édité, toute correction devra faire l'objet d'une confirmation écrite par le vétérinaire. De plus, les éventuelles corrections ne pourront être prises en compte que jusqu'à la fin du mois suivant la transmission du résultat d'analyses (Ex: si date du résultat = 5 février, modification possible jusqu'à fin mars). Nous attirons votre attention sur le fait que les modifications apportées a posteriori à un certificat seront facturées en plus séparément.

Prélèvement:

Le prélèvement issu de cet animal a été réalisé et authentifié de manière officielle par le vétérinaire suivant:

Dr. Camille Girardin 35933



Détermination génétique du groupe sanguin - PCR

Résultat : génotype N/N

Interprétation : le chat examiné est homozygote pour l'allèle N et ne porte donc aucun des variants connus des allèles b et c. Ces 2 allèles sont corrélés au groupe sanguin B ou AB (C).

Le test détecte les variants alléliques des allèles b and c. Hiérarchie allélique : $N > c > b$ A ce jour, l'allèle c n'est décrit que chez des chats de race Ragdoll avec le groupe sanguin AB (C).

Les tests génétiques recherchent les altérations moléculaires, communément appelées mutations ou variants, qui sont associés à des maladies héréditaires ou à des caractères phénotypiques. Le test génétique analyse les 2 copies du gène (les 2 allèles) et détermine le statut de l'animal vis-à-vis de la maladie ou du caractère étudié. Ainsi, pour une maladie héréditaire, les résultats possibles du test sont les suivants :

- N/N : homozygote normal : l'animal examiné est porteur de 2 copies normales du gène (2 allèles normaux)
- N/mut : l'animal examiné est porteur d'une copie de la mutation recherchée (un allèle normal et un allèle défectueux).
- mut/mut: homozygote muté : l'animal examiné est porteur de 2 copies de la mutation (2 allèles défectueux). N désigne ici le gène (l'allèle) normal, parfois aussi appelé sauvage. De manière générale, « mut » désigne la copie défectueuse, les lettres étant choisies selon le nom de la maladie testée.

Cette situation génétique ne permet pas à elle seule de se prononcer sur l'expression de la maladie étudiée, c'est-à-dire prédire l'âge d'apparition ou/et la gravité des symptômes. L'expressivité de la plupart des affections génétiques est variable:

leur développement dépend à la fois de facteurs génétiques et environnementaux (p. ex. les conditions de vie). Il en est de même pour la pénétrance (plus ou moins complète) qui représente la proportion d'animaux génétiquement atteints développant la maladie.

En règle générale, pour les maladies récessives, la maladie ne se développe que chez les sujets homozygotes mutés tandis que pour les maladies dominantes, les symptômes s'expriment déjà chez les animaux hétérozygotes. Les lettres **r** (autosomique récessif), **d** (autosomique dominant) et **Xr** (X-chromosomique récessif) indiquent le mode de transmission.

Tout résultat anormal n'est pas nécessairement lié à des conséquences pour la santé d'animal ou de sa descendance. C'est justement en cas de présence hétérozygote (hérédité mixte) de maladies monogéniques autosomiques récessives que les résultats mis en évidence n'ont aucune conséquence sur la santé de l'animal et, en cas d'accouplement avec un animal indemne, sur celle de ses descendants.

Pour les résultats non spécifiques à la race, la règle est la suivante:
Jusqu'à présent, aucune corrélation n'a été scientifiquement établie entre le variant testé et la symptomatologie clinique associée dans la race de cet animal.

Vous trouvez sur notre site internet davantage d'informations sur chacune des maladies héréditaires.

VARIANTES SPÉCIFIQUES À LA RACE

Résultats sans risque		Génotype	Gène	Variante
Atrophie progressive de la rétine (pd-PRA) ^r		N/N	AIPL1	C-T
Cystinurie ^r		N/N	SLC7A9	T-A
Déficit en facteur FXII (1321delC) ^{r,5}		N/N	F12	DEL
Déficit en facteur FXII (1631G>C) ^{r,5}		N/N	F12	G-C
Maladie polykystique rénale (PKD) ^d		N/N	PKD1	C-A
Mucopolysaccharidose de type VII (MPS VII) ^r		N/N	GUSB	G-A
Mutation du gène MDR1 (MDR) ^r		N/N	ABCB1	DEL
Myotonie congénitale ^r		N/N	CLCN1	G-T
Polydactylie - Variant-Hw ^d		N/N	LMBR1	T-C
Polydactylie - Variant-UK2 ^d		N/N	LMBR1	T-A
Polydactylie - Variant-UKe ^d		N/N	LMBR1	C-G

VARIANTES NON SPÉCIFIQUES À LA RACE (CORRÉLATION ACTUELLEMENT INCONNUE)

Résultats sans risque		Génotype	Gène	Variante
Acrodermatite entéropathique (AE) ^r		N/N	SLC39A4	C-G
Alpha-mannosidose (AMD) ^r		N/N	MAN2B1	DEL
Atrophie musculaire spinale (SMA) ^r		N/N	LIX1	COMPLEX
Atrophie progressive de la rétine (PRA-b) ^r		N/N	KIF3B	C-T
Atrophie progressive de la rétine (rdAc-PRA) ^r		N/N	CEP290	A-C
Déficit en facteur XI ^{r,5}		N/N	F11	G-A

VARIANTES NON SPÉCIFIQUES À LA RACE (CORRÉLATION ACTUELLEMENT INCONNUE)

Résultats sans risque		Génotype	Gène	Variante
Déficit en pyruvate kinase: ^r		N/N	PKLR	G-A
Gangliosidose (GM1) ^r		N/N	GLB1	C-G
Glaucome primaire congénital (PCG) ^r		N/N	LTBP2	INS
Glycogénose de type IV (GSD IV) ^r		N/N	GBE1	COMPLEX
GM2-Gangliosidose (Burma) ^r		N/N	HEXB	DEL
GM2-Gangliosidose (Korat) ^r		N/N	HEXB	DEL
Head Defect		N/N	ALX1	DEL
Hypokaliémie ^r		N/N	WNK4	C-T
Hypothyroïdie congénitale (CH) ^r		N/N	TPO	C-T
Hypotrichose et courte espérance de vie ^r		N/N	FOXN1	DEL
Mucopolysaccharidose de type VI (MPS VI) ^r		N/N	ARSB	A-G, C-T
Myasthénie congénitale (CMS) ^r		N/N	COLQ	C-T
Myocardiopathie hypertrophique (HCM1) Maine Coon ^d		N/N	MYBPC3	C-G
Myocardiopathie hypertrophique (HCM3) Ragdoll ^d		N/N	MYBPC3	G-A
Myocardiopathie hypertrophique (HCM4) Sphynx ^d		N/N	ALMS1	G-C
Ostéochondrodysplasie ^d		N/N	TRPV4	C-A
Syndrome lymphoprolifératif auto-immun (ALPS) ^r		N/N	FASLG	INS

COULEURS DE LA ROBE & CARACTÉRISTIQUES DE LA ROBE

Test génétique	Génotype	Hierarchie allélique
Couleur "brown" ^r	B/B (ou B-)	T-C, G-A
Couleur "Snow" (Bengal) ^r	cs/cs	C>cb>cs
Couleur ambre ^r	E/E	E>e
Couleur charcoal ^r	A/A	A>a
Couleur de robe extreme sunshine (golden) ^r	N/N	N>wbeSIB>wbSib
Couleur de robe Golden (cuivre) ^r	N/N	N>wbBSH
Couleur de robe sunshine (gold) ^r	N/N	N>wbSib
Couleur Russet ^r	E/E	E>er
Hairless/Curly Coat (SPH/DRX) ^r	N/N	N>hr>re
Locus D (Dilution) ^r	D/d	D>d
Longueur du poil (poil cour/poil long) ^r	M4/M4	N>M1-5
Robe Colourpoint ^r	cs/cs	C>cb>cs
Tabby (S59X)	TaM/TaM	TaM>Tab
Tabby (W841X)	TaM/TaM	TaM>Tab
TiA (C63Y) ^d	N/N	TiA=TiCK>N
TiCK (A18V) ^d	N/N	TiA=TiCK>N
Variante Agouti ^r	A/A	A>a
Variante Curly/bouclé ^d	N/N	Cu>N

Non interprétable

Couleur de robe copal ^r

Les résultats ne sont valables que pour les échantillons reçus par le laboratoire Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée. Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO/IEC 17025:2018 pour les prestations de ce rapport d'analyses. (sauf les prestations des laboratoires partenaires)

Dans de rares cas, certains tests ne peuvent pas être interprétés, généralement en raison d'une qualité ou d'une quantité d'ADN insuffisante. Nous garantissons des résultats pour au moins 95% de tous les tests.

Complexe symptomatique:

- ♥ Cardiologique
- 👁 Opthalmique
- 👉 Dermatologique
- 👉 Immunologique
- 👉 Métabolique
- 👉 Dentaire
- 👉 Neurologique
- 👉 Gastro-intestinal
- 👉 Auditif
- 👉 Musculaire
- 👉 Hématologique
- 👉 Néoplastique
- 👉 Squelettique
- 👉 Urologique
- 👉 Respiratoire
- 👉 Néphrologique
- 👉 Systémique
- 👉 Neuromusculaire

Explications sur la génétique de la couleur de la robe

Vous trouverez ici une aide à l'interprétation des variantes génétiques:

https://shop.labogen.com/coat_colour_genetics_cat



Codes d'annotation

Vous trouverez des informations détaillées sur les codes d'annotation ici:

<https://shop.labogen.com/codes-dannotation>



Les résultats d'analyses se rapportent uniquement au prélèvement reçu et soumis à analyse dans notre laboratoire. L'exactitude des données relatives au prélèvement est de la responsabilité de l'expéditeur. Sauf mention contraire, l'échantillon a pu faire l'objet des analyses demandées. Ce rapport d'essai ne peut être diffusé qu'en entier et sans modifications. Toute reproduction partielle ou contenant des modifications doit recevoir au préalable l'autorisation écrite de Laboklin GmbH & Co. KG.



Fr. Dr. Weimann
Dipl.-Ing. Molekularbiologie

*** Fin du résultat ***



Laboklin App